

مقایسه سطح سرمی آلفا-۱-آنٹی تریپسین (AAT) با سه روش آنژیمی، الکتروفورز و ایمونودیفیوژن

چکیده

زمینه و هدف: کمبود آلفا-۱-آنٹی تریپسین (AAT) با بیماری‌های ریوی، کبدی و چندین اختلال دیگر همراه است. به همین دلیل این پروتئین دارای اهمیت بالینی بوده، ارزیابی سرمی دقیق آن از دیدگاه تشخیصی مهم می‌باشد. در این مطالعه سطح سرمی AAT با سه روش الکتروفورز استات سلولز (CAE)، ظرفیت مهاری تریپسین (TIC) و ایمونودیفیوژن شعاعی (SRID) ارزیابی و نتایج حاصله مقایسه شد.

روش بررسی: نمونه سرم از دانشجویان داوطلب خوابگاههای دانشگاههای تهران تهیه و میزان AAT آن با سه روش SRID، CAE و TIC ارزیابی شد.

یافته ها: در روش CAE و SRID TIC به ترتیب ۸۴٪ و ۱۱٪ نمونه غیر طبیعی بود. ۱۰٪ نمونه با هر دو روش TIC و CAE در محدوده طبیعی و ۲۹٪ نمونه غیر طبیعی بود. ۱۰٪ نمونه با روش TIC غیر طبیعی و با روش CAE غیر طبیعی و ۵٪ نمونه با روش TIC غیر طبیعی و با روش CAE طبیعی بود. ۲۲٪ نمونه با هر دو روش SRID TIC و CAE طبیعی و ۲۷٪ نمونه غیر طبیعی بود. ۵٪ نمونه با TIC طبیعی و با SRID غیر طبیعی و ۷٪ نمونه با TIC غیر طبیعی و با SRID طبیعی بود. نتایج ارزیابی AAT نشان داد که روش های SRID و CAE در مقایسه با TIC به ترتیب حساسیت ۷۰٪ و ۸۳٪ و ۹۰٪ و ۸۵٪ و ۹۰٪ دارند.

نتیجه گیری: هر چند روش CAE و تعیین درصد باند آلفا-۱-گلوبولین روشی رایج در آزمایشگاههای بالینی است، از ویژگی و حساسیت بالای برای ارزیابی AAT برحوردار نمی‌باشد. روش SRID نیز با اینکه نسبت به روش CAE از ویژگی و حساسیت قابل توجهی برحوردار است ویژگی و حساسیت آن کمتر از روش TIC است. بنابراین روش TIC به عنوان روش ارجح برای ارزیابی AAT سرمی توصیه می‌گردد.

واژه های کلیدی: آلفا-۱-آنٹی تریپسین، الکتروفورز استات سلولز، ایمونودیفیوژن شعاعی، ظرفیت مهاری تریپسین

محسن محمدیان یاجلو

گروه بیوشیمی بالینی دانشکده پزشکی
دانشگاه علوم پزشکی تهران

عباس صاحبقدم لطفی

گروه بیوشیمی بالینی دانشکده
پزشکی دانشگاه تربیت مدرس

مهوداد نصرالله زاده ثابت

دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تهران

نجمه ڈالہ جو

گروه بیوشیمی بالینی دانشکده پزشکی
دانشگاه علوم پزشکی ایران

مرضیه امیریان

مرکز تربیت معلم کرمانشاه

مویین بیکلوزاده

مرکز تحقیقات غلند درون ریز و متابولیسم
دانشگاه علوم پزشکی تهران

نویسنده مسئول: محسن محمدیان یاجلو

تلفن: ۰۹۱۲۲۹۵۲۹۱۶

پست الکترونیک: mohammadian@razitums.ac.ir

آدرس: دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تهران

وصول مقاله: ۸۶/۲/۱۷

اصلاح نهایی: ۸۶/۴/۱۰

پذیرش مقاله: ۸۶/۵/۳

مقدمه

قسمت متابول و ۵ قسمت اسید استیک گلاسیال، شفاف و برای دانسیوتومتری آماده شد. بیش از ۹۰ درصد باند آلفا-۱ گلوبولین پروتئینهای سرم را AAT تشکیل می‌دهد. بنابراین درصد باند آلفا-۱ می‌تواند معیار قابل قبولی از غلاظت AAT در سرم طبیعی باشد. سرعت جداسازی و قابلیت نگهداری غشاها شفاف به مدت طولانی از مزایای الکتروفورز استات سلوزل می‌باشد (۱۵).

ایمونوودیفیوژن شعاعی: سرم کنترل و سرم مجھول به چاهکهای ژل آماده کیت SRID (واجد آنتی بادی اختصاصی AAT) اضافه گردید و قطر حلقه رسوبی بعد از ۲۴-۲۸ ساعت اندازه گیری شد. در هر کیت استانداردهای با غلاظت مشخص به کار رفت و در نهایت غلاظت AAT سرم مجھول (برحسب میلی گرم در دسی لیتر) از روی منحنیهای استاندارد به دست آمد (۱۶).

ظرفیت مهاری تریپسین: AAT هیدرولیز سوبسترای آلفا-N-بتنوئیل-DL-آرژین-P-نیتروآنیلید (BAPNA، سیگما) با تریپسین در بافر تریپس را مهار می‌کند. واکنش با اضافه کردن اسید استیک متوقف و جذب در ۴۰۰ نانومتر خوانده شد. سپس فعالیت AAT از روی فرمول $TIC = 7000 / 10.5 \times \Delta A / X.Y$ محاسبه شد، که در آن TIC؛ TIC=7000/10.5 × ΔA/X.Y ظرفیت مهاری تریپسین بر حسب میکرومول در دقیقه در میلی لیتر، $7000 / 10.5$ کل حجم محتوی هر لوله آزمایش بر حسب میکرولیتر، $10.5 / 10.5$ ضریب خاموشی محصول واکنش تریپسین و BAPNA بر حسب میلی مولار، ΔA ؛ تفاضل بین جذب لوله محتوی نمونه و لوله کنترل (آلبومن)، X؛ حجم اولیه سرم رقیق شده و Y مدت زمان آزمایش (ده دقیقه) است (۱۶).

یافته ها

نتایج آنالیز AAT با سه روش SRID، TIC و CAE در جدول یک آمده است. ۲۰۱ نمونه با هر دو روش CAE و TIC در محدوده طبیعی و ۲۹ نمونه با هر دو روش خارج از محدوده طبیعی بود. ۸۳ نمونه با روش TIC، طبیعی و با روش CAE، طبیعی و بر عکس پنج نمونه با روش TIC، غیرطبیعی و با روش CAE، غیرطبیعی بود. همچنین ۲۷ نمونه با هر دو روش TIC و CAE در محدوده طبیعی و ۲۷ نمونه با استفاده از TIC، طبیعی و با استفاده از SRID بود. ۵۷ نمونه با استفاده از SRID، شفاف و با استفاده از

آلفا-۱-آنتی تریپسین (AAT) یک گلیکوپروتئین تک زنجیری با ۳۹۴ اسید آمینه است که به طور غالب در کبد سنتر می‌شود (۱،۲). این پروتئین بعنوان داروی جایگزین نقش مهمی در درمان کمبود AAT دارد (۳). مهمترین عمل فیزیولوژیک AAT مهار الاستاز نوتروفیل در مجرای تنفسی تحتانی است. کمبود AAT موجب مختل شدن این عملکرد مهاری و تخربی بافت همبند آلوئولی می‌شود و آمفیزم را به دنبال دارد (۴-۷). همچنین کمبود این پروتئین با افزایش خطر بیماریهای کبدی و چندین بیماری دیگر همراه است (۸-۱۱). به همین دلیل AAT دارای اهمیت بالینی است و اندازه گیری صحیح و دقیق آن در آزمایشگاه بالینی ضروری می‌باشد. در این مطالعه AAT سرمی ۱۸ نمونه افراد سالم با سه روش- الکتروفورزی (TIC)، آنزیمی (CAE)، آنژیمی (SRID) ارزیابی شد و ویژگی و حساسیت این روشها مورد مقایسه قرار گرفت.

روش بررسی

جمع آوری نمونه ها: در سطح معنی داری ۵ درصد با قبول خطای تقریبی ۳ درصد تعداد ۳۱۸ نمونه سرم از دانشجویان داوطلب ساکن در خوابگاههای دانشگاههای تهران اخذ شد. نمونه گیری فقط از مردان ۲۰-۲۵ ساله، فاقد هرگونه تاریخچه پزشکی و غیر سیگاری انجام گرفت، سطح سرم افراد سیگاری کمتر از افراد غیر سیگاری است (۱۱، ۱۲، ۱۳). براساس نسبت دارندگان واریانتهای طبیعی AAT در کل جمعیت که طبق مطالعات انجام یافته در کشورهای مختلف، (۱۴) حدود ۹۰ درصد است حجم نمونه ۳۸۴ به دست آمد. اما به دلایل مختلف، مثل همولیز، تعدادی از نمونه ها کنار گذاشته شد. در نهایت تعداد ۳۱۸ نمونه را آزمایش کردیم. به همین دلیل میزان خطای این مطالعه کمی بیشتر از ۳ درصد ($3/3$) می باشد.

الکتروفورز استات سلوزل: در این مطالعه از الکتروفورز استات سلوزل هلنا (Helena) استفاده شد.

-۳- میکرولیتر سرم توسط اپلیکاتور مربوطه به استریپ استات سلوزل (که قبل از ۲۰ دقیقه در بافر بوده است) اضافه گردید و الکتروفورز به مدت پانزده دقیقه در ولتاژ ۱۸۰ انجام داده شد. غشاها استات سلوزل با استفاده از مخلوط حلالی شامل ۹۵

تهران گرفته شده بود با سه روش فوق مورد مقایسه قرار گرفت. در روش الکتروفورز ۱۱۲ نمونه و در روش ایمونو دیفیوژن ۸۴ نمونه باند آلفا-۱ غیر طبیعی داشتند. در حالی که در روش TIC تنها ۳۴ نمونه غیر طبیعی بود (جدول ۱). موارد غیر طبیعی با در نظر گرفتن دامنه طبیعی قابل قبول هر روش مشخص شده اند و لزوماً موارد غیر طبیعی بالینی نیستند. چراکه تمامی نمونه ها از افراد سالم، غیر سیگاری و فاقد هرگونه تاریخچه پزشکی اخذ شده است. این مطالعه نشان داد که روش های CAE و SRID در مقایسه با TIC به ترتیب حساسیت ۷۰ درصد و ۸۳ درصد و ویژگی ۸۵ درصد و ۹۰ درصد دارند. در اینجا طبیعی یا غیر طبیعی بودن نتایج در هر روش مورد مقایسه قرار گرفته است.

نتایج در روش TIC به صورت میکرومول در دقیقه در میلی لیتر ($\mu\text{mol}/\text{min}/\text{ml}$)، ولی در SRID به صورت میلی گرم در دقیقه در لیتر (mg/dl) گزارش می شود، (۱۶، ۱۵) که اعداد حاصله گزارش می شود، با توجه به محدوده طبیعی یا غیر طبیعی بودن می تواند باهم مقایسه شوند. به عنوان مثال زمانی که ۳.۲۵ $\mu\text{mol}/\text{min}/\text{ml}$ AAT یک نمونه با روش TIC، ۲.۱-۳.۵ قابل قبول روش TIC (۰ $\mu\text{mol}/\text{min}/\text{ml}$) آن نمونه طبیعی است.

همچنین زمانی که AAT همین نمونه با روش SRID ۳۰۰ mg/dl گزارش می شود با توجه به محدوده طبیعی قابل قبول روش SRID (۱۲۶-۲۲۶ mg/dl)، آن غیر طبیعی است. در اینجا هر چند ۳.۲۵ با ۳۰۰ قابل مقایسه نیست اما می توانیم بگوییم نمونه فوق با روش TIC، طبیعی و با روش SRID، غیر طبیعی گزارش شده است.

نتیجه گیری: ما نتیجه گرفتیم که روش CAE برای اندازه گیری سرمی AAT مطمئن نیست و این روش تنها می توان برای غربالگری، استفاده کرد. همچنین روش SRID، هر چند از ویژگی و حساسیت قابل توجهی نسبت به روش CAE برخوردار است، ویژگی و حساسیت آن کمتر از روش TIC می باشد و این روش بیشتر در تعیین AAT عملکردی مورد توجه است.

غیرطبیعی بود. در حالی که تنها هفت نمونه با TIC، غیرطبیعی و با استفاده از SRID، طبیعی بود (جدول ۲).

جدول ۱. نتایج آنالیز آلفا-۱-آنتی تریپسین سرم دانشجویان پسر با سه روش SRID و CAE.TIC

روش	موارد آنالیز	TIC	CAE	SRID
تعداد نمونه	۳۱۸	۳۱۸	۳۱۸	۳۱۸
آزمایش شده				
دامنه طبیعی	۲/۱-۳/۵	۲-۴/۵	۱۲۶-۲۲۶	درصد
واحد اندازه گیری	$\mu\text{mol}/\text{min}/\text{ml}$	درصد	mg/dl	
تعداد نتایج طبیعی	۲۸۴	۲۰۶	۲۳۴	
تعداد نتایج غیر طبیعی	۳۶	۱۱۲	۸۴	
میانگین نتایج	۲/۴۰	۲/۸۵	۱۷۶/۵۰	

جدول ۲. مقایسه تعداد نتایج طبیعی و غیر طبیعی روش های CAE و SRID با روش TIC

TIC	CAE	SRID
طبیعی	طبیعی	طبیعی
غیر طبیعی	غیر طبیعی	غیر طبیعی

بحث

به دلیل اهمیت بالینی کمبود AAT و نیز کاربرد وسیع آن در درمان بیماری، تعیین دقیق غلظت سرمی AAT فوق العاده مهم است. به همین دلیل روش های دارای ویژگی و حساسیت بالا برای اندازه گیری سرمی این مهار کننده مورد نیازند. روش های مختلفی برای این منظور ابداع و توسعه یافته اند. الکتروفورز استات سلولز قدیمی ترین روش جداسازی پروتئینهای سرم محسوب می شود (۱۵). TIC و SRID روش های جدید تری هستند (با حدود ۳۰ سال قدمت) که امروزه برای اندازه گیری غلظت AAT به کار می روند (۱۶). روش Functional AAT SRID بیشتر در تعیین AAT (AAT) مورد توجه بوده و واکنش پذیری ایمونولوژیکی AAT را نشان می دهد (۱۶). در این مطالعه میزان AAT سرمی ۳۱ نمونه سرم که از دانشجویان خوابگاههای دانشگاههای

REFERENCES

- 1) Raja TA. *Alpha-1-antitrypsin deficiency*. *Respiratory Medicine*: COPD Update. 2006; 1: 80–87.
- 2) Hashemi M, Naderi M, Rashidi H, Ghavami S. *Impaired activity of serum alpha-1-antitrypsin in diabetes mellitus*. *Diabetes Research and Clinical Practice*. 2007;75(2):246-8.
- 3) Coan MH, Brockway WJ, Eguizabal H, Krieg T, Fournel M. *Preparation and properties of alpha-1-proteinase inhibitor concentrate from human plasma*. *Vox.Song*. 1985; 48(6): 333-42.
- 4) Yajloo M.M, Lotfi A.S, et al. *Rapid α -1-antitrypsin M-variant Genotyping by Primer-induced Restriction Analysis*. *Diagn. Mol. Pathol.* 2007; 16(1): 54-56.
- 5) Topic AS, Jelic-Ivanovic ZD, Spasojevic-Kalimanovska VV, Spasic SM. *Association of Moderate Alpha-1 Antitrypsin Deficiency with Lung Cancer in the Serbian Population*. *Archives of Medical Research*. 2006; 37: 866-870.
- 6) Travis J, Salvesen GS. *Human plasma proteinase inhibitors*. *Annu.Rev.Biochem*. 1983; 52: 655-709.
- 7) Brantly ML, Paul LD, Miller BH, Falk RT, Wu M, Cristal RG. *Clinical features and history of the destructive lung disease associated with alpha-1-antitrypsin deficiency of adults with pulmonary symptoms*. *Am.Rev.Respir.Dis*. 1988; 138: 327-36.
- 8) Van Veen IH, Brinke AT, Linden AC, Rabe KF, Bel EH. *Deficient alpha-1-antitrypsin phenotypes and persistent airflow limitation in severe asthma*. *Respiratory Medicine*. 2006; 100: 1534–1539.
- 9) Ronald G. *Alpha-1-antitrypsin deficiency, Emphysema and Liver disease; Genetic Basis and Strategies for therapy*. *J.Clinical.Investigation*. 1990; 85: 1343-52.
- 10) Loche F, Tremean C, Laplanche G. *Panniculitis revealing qualitative alpha-1-antitrypsin deficiency(MS variant)*. *Eur.J.Dermatol*. 1999; 9: 565-7.
- 11) Cox DW. *Alpha-1-antitrypsin deficiency. The metabolic and molecular bases of inherited disease*. 1995; 3: 4125-58.
- 12) Janciauskone S. *Conformational properties of serine proteinase inhibitors (serpins) confer multiple pathophysiological roles*. *Biochimica et Biophysica Acta*. 2001; 1535: 221-35.
- 13) Stavngaard T, Shaker SB, Dirksen A. *Quantitative assessment of emphysema distribution in smokers and patients with α 1-antitrypsin deficiency*. *Respiratory Medicine*. 2006; 100: 94–100.
۱۴. صاحبقرم لطفی عباس، محمدیان یاجلو محسن و همکاران. فراوانی واریانت‌های M_1 , M_2 , M_3 و Z و S در آلفا-۱-آنتی ترپیسین در جامعه ایرانی، *مجله علمی دانشگاه علوم پزشکی رفسنجان*، جلد چهارم، شماره اول، صفحه ۳۵-۴۰. ۱۳۸۳، زمستان.
- 15) Zak B, Baginski E, Epstein E. *Associated problems of protein electrophoresis, staining and densitometry*. *Ann.Clin.Lab.Sci*. 1978; 8: 385-95.
- 16) Albert A, Hurbert M. *Measurement of Alpha-1-antitrypsin in serum, by immunodiffusion and by enzymatic assay*. *Clinical chemistry*. 1974; Vol.20. No.3.